

# Séquençage du Microbiome

## à partir de l'ARNr 16S (régions V1-V9)

### Nombre d'échantillons

De 10 à 2 500 échantillons simultanés

### Profondeur de lecture

De 10 000 à 100 000 lectures par échantillon

### Types d'échantillons

Intestin, fèces, sol, sang, urine, salive, lait, eau, cellules, tissus

### Résultats rapides et robustes

6 semaines pour 150 échantillons

Classification des OTUs

Analyse de diversité et analyse statistique

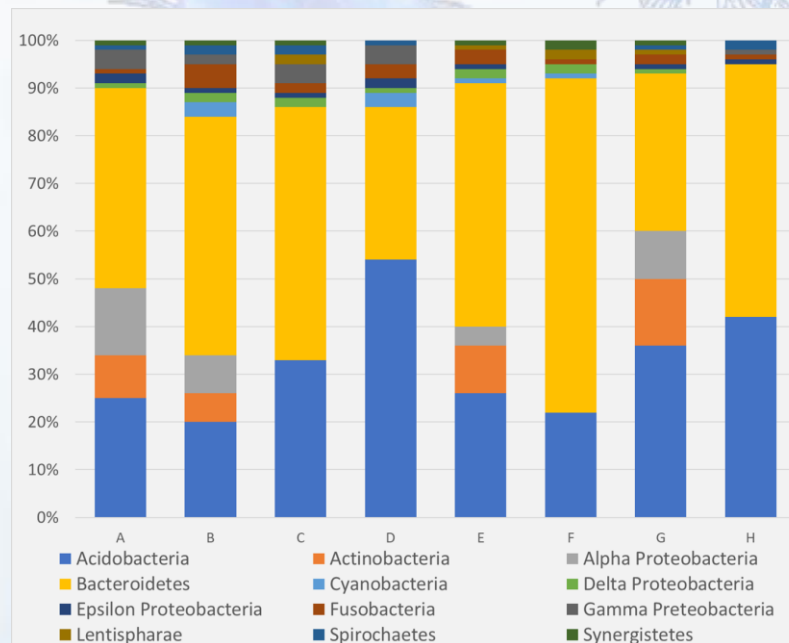
Rapport d'analyse complet

Délivrable via un serveur FTP ou par USB Drive

### Autres options

Microbiome fongique (région ITS)

### Exemple de résultats/échantillon



Réception des échantillons

Extraction ADN

Amplification des régions 16S d'intérêt

Vérification des amplifications

Quantification et normalisation

Séquençage sur Illumina MiSeq

Affiliation taxonomique et analyse phylogénétique