

Séquençage du Microbiome à partir de l'ARNr 16S (régions V1-V9)

Nombre d'échantillons

De 10 à 2 500 échantillons simultanés

Profondeur de lecture

De 10 000 à 100 000 lectures par échantillon

Types d'échantillons

Intestin, fèces, sol, sang, urine, salive, lait, eau, cellules, tissus

Résultats rapides et robustes

6 semaines pour 150 échantillons

Classification des OTUs

Analyse de diversité et analyse statistique

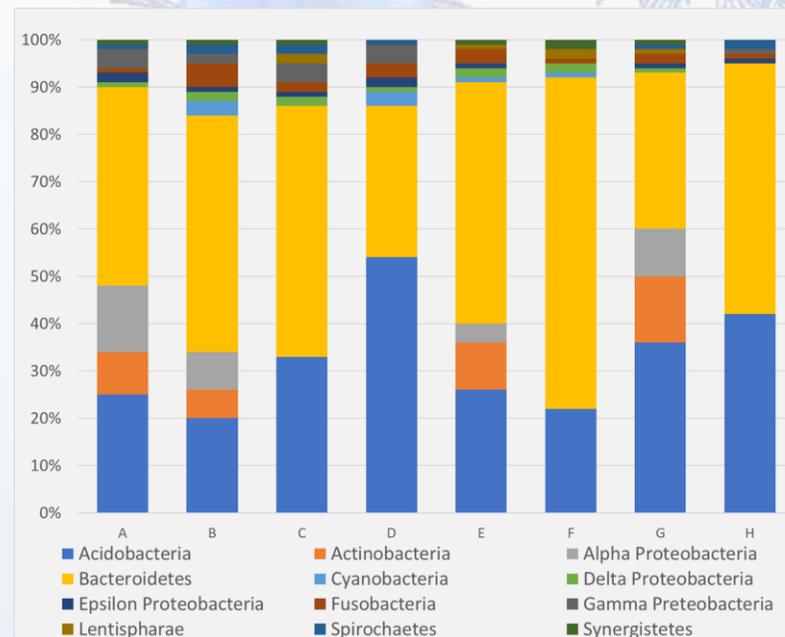
Rapport d'analyse complet

Délivrable via un serveur FTP ou par USB Drive

Autres options

Microbiome fongique (région ITS)

Exemple de résultats/échantillon



Réception des échantillons

Extraction ADN

Amplification des régions 16S d'intérêt

Vérification des amplifications

Quantification et normalisation

Séquençage sur Illumina MiSeq

Affiliation taxonomique et analyse phylogénétique